

Sada reagensií NextSeq™ 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů)

URČENO K DIAGNOSTICE IN VITRO

Katalogové č. 20028871

Účel použití

Sada reagensií Illumina NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů) je sada reagensií a spotřebních materiálů určených pro sekvenování knihoven vzorků při provádění validovaných rozborů. Tato sada je určena k použití s analytickým softwarem a přístrojem NextSeq 550Dx.

Principy postupu

Sada reagensií NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů) je sada reagensií a spotřebních materiálů určená k jednorázovému použití při sekvenování v přístroji NextSeq 550Dx. Jako vstup tato sada reagensií NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů) používá knihovny vytvořené z DNA, kdy se indexy vzorků a zachycené sekvence připojují k amplifikovaným cílům. Knihovny vzorků se zachytí v průtokové kyvetě a jsou přístrojem sekvenovány pomocí technologie syntézy sekvenováním (SBS). Technologie SBS využívá metodu reverzibilního terminátoru k detekci fluorescenčně značených jednotlivých nukleotidových bází tak, jak se začleňují do rostoucích řetězců DNA. Počet knihoven vzorků závisí na multiplexaci podporované upstream metodou přípravy knihovny.

V příložené dokumentaci k přístroji *NextSeq 550Dx* je uveden návod na provádění sekvenace na přístroji NextSeq 550Dx.

Výkonnostní charakteristiky a omezení postupu pro sadu reagensií NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů) byly stanoveny pomocí modulů Germline Variant (Varianty zárodečné linie) a Somatic Variant (Somatické varianty) softwaru Local Run Manager.

Omezení postupu

- 1 Určeno k diagnostice *in vitro*.
- 2 Assay Software neřadí čtení s indely (inzerce, delece nebo kombinace), jejichž délka obsahu je >25 bázových párů (bp). Proto indely o délce >25 bp nejsou pro Assay Software zjištělné.
- 3 Assay Software nemusí řadit čtení amplikonů s extrémním obsahem, což má za následek, že daná oblast se vykáže jako divoký typ. Takovýto extrémní obsah zahrnuje:
 - ▶ Čtení obsahující více než tři indely
 - ▶ Čtení o délce minimálně 30 bp s obsahem jednonukleotidové varianty (SNV) >4 % celkové cílové délky amplikonu (kromě oblastí sondy)
 - ▶ Čtení o délce <30 bp s obsahem SNV >10 % celkové délky amplikonu (včetně oblastí sondy)
- 4 Velké varianty, včetně vícenukleotidových variant (MNV) a velkých indelů, mohou být ve výstupním souboru VCF vykáženy jako samostatné menší varianty.
- 5 Varianty delece mohou být při přemostění dvou překrývajících amplikonů filtrovány nebo opomenuty, je-li délka delece větší než překryv mezi překrývajícími amplikony, nebo se mu rovná.

- 6 Systém nedokáže detekovat indely, pokud sousedí přímo s primerem a není zde žádný překrývající amplikon. U oblastí s překrývajícími amplikony rozbor nedokáže detekovat delece, pokud je oblast překrytí menší než velikost delece, která se má detekovat. Pokud například oblast překrytí dvou sousedících amplikonů zahrnuje dvě báze, rozbor nedokáže detekovat žádné delece včetně těchto dvou bází. Delece jedné báze na kterékoliv z těchto bází zjištěna být může.
- 7 Podobně jako u jakéhokoliv pracovního postupu přípravy knihovny na bázi hybridizace mohou vlastní polymorfismy, mutace, inserce či delece ve vazebných oblastech oligonukleotidů ovlivnit alely, na něž sonda cílí, a tedy i signály uskutečněné v průběhu sekvenování. Příklad:
 - ▶ Varianta ve fázi s variantou v oblasti primeru nemusí být amplifikována, což má za následek falešně negativní výsledek.
 - ▶ Varianty v oblasti primeru by mohly zabránit amplifikaci referenční alely, což by vedlo k nesprávnému signálu homozygotní varianty.
 - ▶ Varianty indelů v oblasti primeru mohou vyvolat falešně pozitivní signál na konci čtení sousedícího s primerem.
- 8 Indely mohou být filtrovány vlivem zkreslení, pokud se vyskytují poblíž konce jednoho čtení a během řazení jsou tzv. soft-clipped.
- 9 Malé MNV nebyly validovány a vykáží se pouze v modulu Somatic Variant.
- 10 Delece se vykáží ve VCF na souřadnici předchozí báze podle formátu VCF; proto se v případech přiléhající varianty musí zvážit, než se vykáže, že signál individuální báze je homozygotní reference.
- 11 Specifická omezení týkající se zárodečné linie:
 - ▶ PřístrojNextSeq 550Dx používající modul Germline Variant softwaru Local Run Manager pro NextSeq 550Dx je navržen tak, aby poskytoval kvalitativní výsledky signálu variant zárodečných linií (např. homozygotní, heterozygotní, divokého typu).
 - ▶ Používá-li se modul Germline Variant, je minimální pokrytí na jeden amplikon potřebné pro přesný signál variant 150x. V důsledku toho je potřeba 150 podpůrných fragmentů DNA, což odpovídá 300 překrývajícím se pair-end čtením. Pokrytí je ovlivněno počtem vzorků a celkovým počtem cílových bází. Pokrytí může být ovlivněno obsahem GC a dalším genomickým obsahem.
 - ▶ Zda bude varianta identifikována jako homozygotní nebo heterozygotní, může být ovlivněno variabilitou počtu kopií.
 - ▶ Varianty v určitém opakujícím se kontextu se vyfiltrují do souborů VCF. Pro filtrování variant v případech, kdy se celá nebo částečná sekvence varianty objevuje v referenčním genomu přiléhajícím k pozici varianty opakovaně, se používá filtr opakování RMxN. V případě signálu varianty zárodečné linie vyžaduje filtrace varianty minimálně devět opakování v referenci, přičemž se zohlední pouze opakování o délce do 5 bp (R5x9).
 - ▶ Vyskytuje-li se v jednom lokusu indel a SNV, může to vést k tomu, že se vykáže pouze jedna varianta.
- 12 Specifická omezení týkající se somatických variant:
 - ▶ Přístroj NextSeq 550Dx používající modul Somatic Variant softwaru Local Run Manager pro NextSeq 550Dx je navržen tak, aby poskytoval kvalitativní výsledky signálu somatických variant (např. přítomnost somatické varianty s četností varianty $\geq 0,026$ s limitem detekce 0,05).
 - ▶ Používá-li se s modulem Somatic Variant, je minimální pokrytí na amplikon potřebné pro přesný signál variant 450x na jeden fond oligonukleotidů. Na jeden fond oligonukleotidů je tedy zapotřebí 450 podpůrných fragmentů DNA, což odpovídá 900 překrývajícím se pair-end čtením. Pokrytí je ovlivněno počtem vzorků a celkovým počtem cílových bází. Pokrytí může být ovlivněno obsahem GC a dalším genomickým obsahem.
 - ▶ U volání somatických variant je pro filtrování varianty potřeba alespoň šest opakování v referenci, přičemž se berou v úvahu pouze opakování o délce max. 3 bp (R3x6).
 - ▶ Modul pro analýzu somatických variant nedokáže rozlišit mezi germinálními a somatickými variantami. Modul je určen k detekování variant v celé řadě frekvencí variant, ale frekvenci variant nelze použít k rozlišení somatických variant od germinálních variant.
 - ▶ Detekci variant ovlivňuje normální tkáň ve vzorku. Vykázaná mez detekce je založená na frekvenci variant vzhledem k celkové DNA izolované z nádoru a z normální tkáně.

Komponenty sady reagensí

Každá komponenta sady reagensí NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů) se dodává v samostatné krabičce. Komponenty ihned uskladněte při určených teplotách, aby byla zajištěna jejich správná funkce. Níže je uveden seznam komponent sady reagensí.

Tabulka 1 Komponenty sady reagensí

Komponenta	Množství	Objem plnění	Popis	Skladování*
Zásobník s reagensiemi NextSeq 550Dx High Output Reagent Cartridge v2 (300 cyklů)	Po jedné	Různé	Reagencie pro tvorbu klastrů a sekvenování	-25 až -15 °C
Zásobník s pufrům NextSeq 550Dx Buffer Cartridge v2 (300 cyklů)	Po jedné	Různé	Pufrovaný a promývací roztok	15 až 30 °C
Zásobník s průtokovou kvetou NextSeq 550Dx High Output Flow Cell Cartridge v2.5 (300 cyklů)	Po jedné	Není k dispozici	Skleněná průtoková kveta pro paired-end sekvenování k jednorázovému použití	2 až 8 °C
Sada s příslušenstvím NextSeq 550Dx Accessory Box (300 cyklů)	1 zkumavka	12 ml	Pufr pro diluci knihovny	-25 až -15 °C

*Sady reagensí NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů) se přepravují při pokojové teplotě.

Číslo šarží

Sada reagensí je označena jedním číslem šarže, které se nazývá číslo šarže sady reagensí. Číslo šarže sady reagensí je vytištěno na každé krabičce v sadě reagensí. Komponenty sady reagensí, jež jsou v krabičkách uloženy, jsou označeny vytištěnými čísly šarže konkrétních komponent, která se od čísla šarže sady reagensí liší. Spotřební materiál pro sekvenování skladujte v původních krabičkách, dokud nebude použit, aby se zachovalo spojení mezi sadou a šarží. Údaje o katalogových číslech a číslech šarží jsou uvedeny v analytickém certifikátu.

Skladování a manipulace

- 1 Pokojová teplota je definována jako 15 až 30 °C.
- 2 Komponenty sady reagensí se zasílají za kontrolované teploty a jsou stabilní, pokud jsou uskladněny při uvedených teplotách skladování, do data expirace uvedeného na štítku.
- 3 Sada s příslušenstvím NextSeq 550Dx a zásobník s reagensiemi NextSeq 550Dx jsou stabilní maximálně po jednom rozmrazení na pokojovou teplotu před uvedeným datem expirace. Zásobník s reagensiemi je stabilní po dobu 6 hodin po rozmrazení ve vodní lázni pokojové teploty. Alternativně lze zásobník s reagensiemi rozmrazit při teplotě 2 až 8 °C max. 5 dní před použitím.
- 4 Změny fyzického vzhledu reagensí mohou znamenat poškození materiálů. Dojde-li ke změně fyzického vzhledu po smísení, například ke zjevným změnám barvy reagensí nebo výskytu zákalu typického pro mikrobiální kontaminaci, reagenzie nepoužívejte.

Požadované vybavení a materiály, prodávané samostatně

- ▶ NextSeq 550Dx Instrument, katalogové č. 20005715

Varování a preventivní opatření



UPOZORNĚNÍ

Podle federálních zákonů se prodej tohoto zdravotnického prostředku omezuje na prodej lékařem nebo jiným držitelem povolení k používání tohoto zdravotnického prostředku či vystavení poukazu na tento prostředek v daném státě nebo na prodej na základě jimi vystaveného poukazu.

- 1 Sada reagensí NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 cyklů) obsahuje potencionálně nebezpečné chemikálie. Vdechováním, požitím, stykem s kůží a vniknutím do očí může dojít k poranění. Používejte ochranné pomůcky včetně ochranných brýlí, rukavic a laboratorního pláště, které jsou adekvátní pro možná rizika. S použitými reagensy nakládejte jako s chemickým odpadem a zlikvidujte je v souladu se zákony a normami platnými ve vaší zemi.
- 2 Informace týkající se ochrany životního prostředí, zdraví a bezpečnosti práce naleznete na bezpečnostních listech (SDS) na stránce support.illumina.com/sds.html.
- 3 Nedodržení uvedených postupů může vést k chybným výsledkům nebo významnému snížení kvality vzorku.
- 4 Dodržujte běžná laboratorní preventivní opatření. Nepipetujte ústy. Ve vyhrazených pracovních prostorech nejezte, nepijte ani nekuřte. Při manipulaci se vzorky a reagensy rozboru používejte jednorázové rukavice a laboratorní pláště. Po manipulaci se vzorky a reagensy rozboru si důkladně umyjte ruce.
- 5 Dodržujte postupy správné laboratorní praxe a hygieny, aby nedošlo ke kontaminaci reagensí, nástrojů a genomických vzorků DNA produkty PCR. Kontaminace PCR může vést k nepřesným a nespolehlivým výsledkům.
- 6 Aby se zabránilo kontaminaci, zajistěte, aby vybavení v pre-amplifikačních a post-amplifikačních prostorách (např. pipety, špičky pipet, vortexová třepačka a odstředivka) bylo dedikované.

Návod k použití

Viz příložená dokumentace k přístroji *NextSeq 550Dx* a příslušné referenční příručky.

Výkonnostní charakteristiky

Viz příložená dokumentace k přístroji *NextSeq 550Dx*.

Patenty a ochranné známky

Tento dokument a jeho obsah je vlastnictvím společnosti Illumina, Inc. a jejích přidružených společností (dále jen „Illumina“). Slouží výlučně zákazníkovi ke smluvním účelům v souvislosti s použitím zde popsaných produktů a k žádnému jinému účelu. Tento dokument a jeho obsah nesmí být používán ani šířen za žádným jiným účelem ani jinak sdělován, zveřejňován či rozmnožován bez předchozího písemného souhlasu společnosti Illumina. Společnost Illumina nepředává tímto dokumentem žádnou licenci na svůj patent, ochrannou známku, autorské právo či práva na základě zvykového práva ani žádná podobná práva třetích stran.

Pokyny v tomto dokumentu musí být důsledně a výslovně dodržovány kvalifikovaným a řádně proškoleným personálem, aby bylo zajištěno správné a bezpečné používání zde popsaných produktů. Veškerý obsah tohoto dokumentu musíte před použitím takových produktů beze zbytku přečíst a pochopit.

NEDODRŽENÍ POŽADAVKU NA PŘEČTENÍ CELÉHO TEXTU A NEDŮSLEDNÉ DODRŽOVÁNÍ ZDE UVEDENÝCH POKYŇŮ MŮŽE VÉST K POŠKOZENÍ PRODUKTŮ, PORANĚNÍ OSOB, AŽ UŽ UŽIVATELŮ ČI JINÝCH OSOB, A POŠKOZENÍ JINÉHO MAJETKU A POVEDE KE ZNEPLATNĚNÍ JAKÉKOLI ZÁRUKY VZTAHUJÍCÍ SE NA PRODUKT.

SPOLEČNOST ILLUMINA NA SEBE NEBERE ŽÁDNOU ODPOVĚDNOST VYPLÝVAJÍCÍ Z NESPRÁVNÉHO POUŽITÍ ZDE POPSANÝCH PRODUKTŮ (VČETNĚ DÍLŮ TĚCHTO PRODUKTŮ NEBO SOFTWARE).

© 2021 Illumina, Inc. Všechna práva vyhrazena.

Všechny ochranné známky jsou vlastnictvím společnosti Illumina, Inc. nebo jejich příslušných vlastníků. Informace o konkrétních ochranných známkách naleznete na adrese www.illumina.com/company/legal.html.

Kontaktní údaje



Illumina
5200 Illumina Way
San Diego, Kalifornie 92122 U.S.A.
+1 800 809 ILMN (4566)
+1 858 202 4566 (mimo Severní Ameriku)
techsupport@illumina.com
www.illumina.com



Illumina Netherlands B.V.
Steenoven 19
5626 DK Eindhoven
Nizozemsko

Australský sponzor

Illumina Australia Pty Ltd
Nursing Association Building
Level 3, 535 Elizabeth Street
Melbourne, VIC 3000
Austrálie

Štítky na produktech

Úplné reference k symbolům, které se mohou objevit na balení a označení produktu, naleznete v klíči symbolů na adrese support.illumina.com na kartě *Documentation and Literature* (Dokumentace a literatura) příslušné sady.