

유전체학적 통찰을 이끌어 내는 기술

Explainable-AI(XAI)를 활용한
3차 분석 임상 연구 워크플로우와
자동화를 통해 효율성과 신뢰도를
향상해 보세요.

Emedgene은 사용자 정의 보고서 생성
워크플로우를 통해 변이 해석 단계를
간소화하고 통합해 줍니다.

유수의 기관이 신뢰하는 Emedgene

BAYLOR
GENETICS

SickKids



 Greenwood
Genetic Center

fleury medicina
e saúde | Genômica

3차 분석 임상 연구 워크플로우를 자유롭게 확장해 보세요.

간소화

XAI와 사용자 맞춤 자동화 기능으로 분석 건당 최대 75%의 작업 시간 절약

통합

완전한 Assay 워크플로우의 간소화 및 보호를 위해 LIMS와 기타 보건의료 IT 시스템에 연결

성장의 원동력

전문가 지원을 통해 진보하는 과학, 기술 및 수요에 발 빠르게 대응

광범위한 사용 사례에 적용된 강력한 핵심 AI 기술

Assay 실행

현재 디지털 에코시스템에 통합되어 있는 고처리량 WGS, WES, 가상 패널 또는 표적 패널 워크플로우를 구현하세요.

메뉴 확장

WGS 또는 WES로 분석을 확대하거나 Backbone Assay의 패널을 표준화하고, 다양한 유형의 변이(예: SNV, Indel, CNV, mtDNA, SV, STR 변이)를 분석해 보세요.

볼륨 확장

XAI와 자동 워크플로우를 활용하여 인력 증원 없이 처리량을 높여 보세요.

엄선된 지식 공유

협업의 힘을 활용하여 안전한 네트워크를 통해 다른 랩과 지식을 공유하세요.

AI는 유전체 연구에서 발생하는 노이즈를 줄여 주고 근거가 가장 많은 데이터를 강조해 줍니다.



효율성

확장 및 효율성 증대 지원



신속성

작업 소요 시간 단축 및 비용 절감



정확성

다양한 앱에서 손쉽게 변이 우선순위 설정

원활한 기술 도입, 통합 및 운영에 필요한 엔터프라이즈 기능을 모두 제공합니다.

자동화된 ACMG 분류 체계

SNV, Indel 및 CNV의 자동 분류 기능으로 변이 분류 시간을 최대 90% 단축해 보세요.

폭넓은 검사 및 변이 유형 포트폴리오

WGS, WES, 표적 패널 또는 가상 패널로 SNV, Indel, CNV, SV, STR 및 mtDNA의 해석이 가능합니다.

SOP 및 고급 필터

다양한 사전 정의된 맞춤형 필터를 생성하거나 Illumina의 고급 필터링 시스템을 사용하여 자체적인 표준 작업 지침서(SOP)를 플랫폼에 적용할 수 있습니다.

지식 관리

자체적으로 큐레이션을 거치고 태그가 추가된 유전체 데이터의 지식 베이스(knowledge base)를 구축하고 관리할 수 있습니다.

간소화된 워크플로우와 협업 절차

랩에 맞춤화된 워크플로우를 적용하고 원활한 팀 커뮤니케이션을 이뤄 보세요.

자동화된 맞춤형 보고 기능

보고서의 맞춤 설정, 편집 및 자동 입력이 가능하며, HTML 없이 최소한의 수동 작업만이 요구됩니다.

강력한 API 상호 운용성

API를 널리 사용되고 있는 LIMS, 스토리지, 파이프라인 등에 통합함으로써 워크플로우를 자동화할 수 있습니다.

엄선된 지식 공유

안전한 네트워크를 통해 다른 랩과 큐레이션을 거친 변이를 공유하고, 더욱더 원활한 팀 커뮤니케이션을 경험할 수 있습니다.

라이브러리 준비에서 시퀀싱과 데이터 분석까지, 랩의 연구 워크플로우를 통합하고 간소화해 보세요.

뉴스



Breaking the Interpretation Bottleneck

Baylor Genetics의 Linyan Meng 박사가 AI를 활용하여 97%의 정확도로 원인 변이를 찾아낸 공동 연구 결과를 공유합니다.

사례



Nature Genomic Medicine

Boston Children's Hospital에서 임상 유전체 연구 이니셔티브에 Emedgene을 활용한 사례를 소개합니다.

사례



American Journal of Medical Genetics

브라질의 거대한 보건의료 기업인 Fleury가 AI로 진단 수익률을 향상한 예시가 제공됩니다.

Emedgene은 연구자의 목표 달성을 위해 유전체학적 통찰을 이끌어 내는 기술로 유전체학적 발견을 돕는 연구 규모에 적합한 데이터 중심 AI 솔루션을 제공합니다.

illumina®

무료 전화(한국) 080-234-5300 | techsupport@illumina.com
www.illumina.com

© 2023 Illumina, Inc. All rights reserved.
모든 상표는 Illumina, Inc. 또는 각 소유주의 자산입니다.
특정 상표 정보는 www.illumina.com/company/legal.html을 참조하십시오.



약어

ACMG	American College of Medical Geneticists: 미국의학유전학회	HIPAA	Health Insurance Portability and Accountability Act: 건강 보험 양도 및 책임에 관한 법	SOP	Standard Operating Procedure: 표준 작업 지침서
AI	Artificial Intelligence: 인공 지능	LIMS	Lab Information Management System: 실험실 정보 관리 시스템	STR	Short Tandem Repeat: 짧은 연쇄 반복
API	Application Programming Interface: 애플리케이션 프로그래밍 인터페이스	mtDNA	Mitochondrial DNA: 미토콘드리아 DNA	SV	Structural Variant: 구조적 변이
CNV	Copy Number Variant: 유전자 복제수 변이	NLP	Natural Language Processing: 자연어 처리	TAT	Turnaround Time: 작업 소요 시간
EHR	Electronic Health Record: 전자 건강 기록	SNV	Single Nucleotide Variant: 단일 염기서열 변이	WES	Whole-Exome Sequencing: 전장 엑솜 시퀀싱
GDPR	General Data Protection Regulation: 일반 데이터 보호 규정	SOC	Service Organization Control: 서비스 조직의 통제	WGS	Whole-Genome Sequencing: 전장 유전체 시퀀싱
				XAI	Explainable Artificial Intelligence: 설명 가능한 인공 지능

연구 전용입니다. 진단 절차에는 사용할 수 없습니다.

문서 번호: M-KR-00161 KOR
영어 원본: M-GL-00570 v1.0